

APLICACIÓN DEL FISH PARA DEFINIR ALTERACIONES OBSERVADAS MEDIANTE SKY EN LINFOMA DE LA ZONA MARGINAL ESPLÉNICA (LZME)

C. Baró¹, M. Salido^{1*}, B. Espinet^{1*}, L. Astier¹, A. Domingo³, I. Granada⁴, L. Florensa^{1*}, A. Ferrer¹, A. Salar², B. Bellosillo¹, S. Serrano¹, F. Solé^{1*}

(1) Lab. Citogenètica i Biologia Molecular. Lab. Citologia Hematològica. S. Patologia. Hospital del Mar. URNHE-IMAS/IMIM. URTTS-IMAS/IMIM. Barcelona. SPAIN. *Escola de Citologia Hematològica Soledad Woessner-IMAS. (2) S. Hematologia Clínica. Hospital del Mar. Barcelona. SPAIN. (3) S. Hematologia. Ciutat Sanitària i Universitària de Bellvitge. L'Hospitalet de Llobregat. SPAIN. (4) S. Hematologia. Hospital Germans Trias i Pujol. Badalona. SPAIN.

Introducción: El linfoma de la zona marginal esplénica (LZME) es un síndrome linfoproliferativo con características clínicas, inmunofenotípicas, citológicas e histológicas distintas de otras patologías de célula B. Los estudios citogenéticos demuestran la frecuente implicación de los cromosomas 3,7,8,9,12 y 14, y elevada incidencia de cariotipos complejos difíciles de definir.

Objetivos: Caracterizar en los LZME nuevas alteraciones citogenéticas observadas por SKY, utilizando la técnica de hibridación in situ fluorescente (FISH). **PACIENTES Y MÉTODOS:** Presentamos 19 pacientes diagnosticados de LZME, seleccionados de una serie de 160 casos, en función de un cariotipo complejo y número suficiente de metafases. Las técnicas de citogenética convencional y SKY se aplicaron para detectar nuevas alteraciones cromosómicas. Posteriormente, se realizó la técnica de FISH utilizando las siguientes sondas comerciales: *BCL-6* (3q27), *c-MYC* (8q24), *RB1* (13q14), *IGH* (14q32), *P53* (17p13), *BCL-3* (19q13), *IGK* (2p11) y *PAX-5* (9p13), para comprobar las alteraciones observadas.

Resultados: El gen *P53* estaba implicado en seis de los siete casos estudiados. *BCL-6* presentaba ganancias en siete de nueve pacientes. El gen *MYC* estaba ganado en cuatro casos y solamente un paciente de los tres analizados presentaba pérdida de la región 13q14.

Conclusiones: En referencia a la implicación de 14q32, fueron confirmadas translocaciones recíprocas implicando los genes *PAX-5/IGH* (tres casos) y *IGH/BCL-3* (dos casos). El gen *IGK* resultó estar implicado en una translocación de los tres casos estudiados. Conclusiones: Los estudios de FISH nos han permitido redefinir los resultados obtenidos por SKY. La aplicación del SKY y posteriormente de la técnica de FISH, ha permitido establecer los puntos de rotura implicados en las nuevas translocaciones detectadas.

AGRADECIMIENTOS A la subvención de la Fundació la Marató de TV3 2004 (Cáncer).