

NUEVAS TRANSLOCACIONES IMPLICANDO EL LOCUS IGH/14Q32 EN DOS CASOS DE LEUCEMIA AGUDA LINFOBLÁSTICA

A.Aventín^a, J.F. Nomdedéu^a, R. La Starza^b, J. Sánchez^a, C. Estany^c, I. de Diego^c, R.Soto^c, I. Badell^d, C. Mecucci^b

^aServicio de Hematología y ^dPediatría. Hospital Sant Pau. Barcelona. ^bHematology Unit. University Perugia. Italy. ^cHospital Mutua de Terrassa. Barcelona.

Introducción: La identificación de nuevas alteraciones cromosómicas clonales constituyen importantes marcadores para el diagnóstico y pronóstico en la leucemia aguda linfoblástica (LAL).

Objetivo: Se describen dos casos de LAL-B común en las que se ha identificado una t(2;14)(q21;q32) y una t(14;17)(q32;q21), respectivamente.

Métodos: El análisis de citogenética convencional (ACC) de médula ósea se realizó con un cultivo de 24h sin estimulantes y bandeó G. La técnica de hibridación in situ fluorescente (FISH) se realizó con sondas de ADN comerciales: locus IgH/14q32 fusión-doble color (Vysis) en ambos casos y de pintado cromosómico para el #2 (Metasystems) en el caso 1. Se aplicó el protocolo de la casa comercial.

Resultados: Los hallazgos clínicos y citogenéticos se resumen en la siguiente tabla.

Pts	Edad/Sexo	Diagnóstico	ACC	FISH Reordenamiento IgH	Supervivencia en meses
1	16 / V	LAL-B común	47,XY,t(2;14)(q21;q32),add(12)(q23),+mar[6]/46,XY[17]	Positivo	36
2	15/ V	LAL-B común	47,XY,+10,t(14;17)(q32;q21)[15]	Positivo	9

Ambos casos fueron diagnosticados según criterios morfológicos e inmunofenóticos. La sonda locus IgH/14q32 demostró, en ambos casos, la separación de la señal de hibridación-fusión al #der(2) (caso 1) y al #der(17) (caso 2) debido a las respectivas translocaciones cromosómicas.

Conclusión: Las translocaciones recíprocas implicando el locus IGH/14q32 son infrecuentes en la LAL-B común. La t(2;14)(q21;q32) y la t(14;17)(q32;q21) identificadas en el presente trabajo no han sido referidas en la literatura con anterioridad. La caracterización molecular de los puntos de rotura 2q21 y 17q21 demostrará la presencia de potenciales nuevos oncogenes implicados en ambas alteraciones citogenéticas.